

# INTERPRETATION TABLE

## HLA-A\*68 SSP subtyping

Amplification patterns of the A\*68:01 to A\*68:85 and the A\*69:01 alleles

		Well <sup>8</sup>																							
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
Length of spec.		195	435	195	180	140	230	145	160	150	165	160	205	210	150	145	215	175	200	325	90	165	165	185	375
PCR product(s)					225	235			240	195		200	405	240	195	205			225			215			
Length of int.		800	1070	1070	1070	800	1070	1070	800	800	800	800	1070	800	800	1070	1070	1070	800	1070	1070	1070	800	1070	1070
pos. control <sup>1</sup>																									
5'-primer(s) <sup>2</sup>		127	261	106	102	98	102	145	98	106	413	98	47	2 <sup>nd</sup> I	103	453	106	395	413	317	362	102	413	413	261
		5'-ggg <sup>3</sup>	5'-AAC <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-ACT <sup>3</sup>	5'-CTA <sup>3</sup>	5'-ACT <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-CTA <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-CCg <sup>3</sup>	5'-CTA <sup>3</sup>	5'-g.T <sup>3</sup>	5'-CCT <sup>3</sup>	5'-CCT <sup>3</sup>	5'-AAA <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-gCA <sup>3</sup>	5'-CCg <sup>3</sup>	5'-gCA <sup>3</sup>	5'-gAg <sup>3</sup>	5'-ACT <sup>3</sup>	5'-CCg <sup>3</sup>	5'-CCg <sup>3</sup>	5'-AAC <sup>3</sup>
						397	106	414	418	2 <sup>nd</sup> I		419	376		413			413		362	413				
						5'-gCC <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-gAA <sup>3</sup>	5'-AgC <sup>3</sup>	5'-CCT <sup>3</sup>		5'-ggT <sup>3</sup>	5'-gCA <sup>3</sup>		5'-CCg <sup>3</sup>			5'-CCA <sup>3</sup>		5'-gAg <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>				
3'-primer(s) <sup>3</sup>		282	413	259	240	290	292	259	299	216	538	256	282	497	255	555	278	539	570	362	413	275	539	559	355
		5'-gAC <sup>3</sup>	5'-gCC <sup>3</sup>	5'-gTT <sup>3</sup>	5'-gga <sup>3</sup>	5'-CAA <sup>3</sup>	5'-gtg <sup>3</sup>	5'-gTT <sup>3</sup>	5'-TCA <sup>3</sup>	5'-gCT <sup>3</sup>	5'-CTg <sup>3</sup>	5'-CTC <sup>3</sup>	5'-gAC <sup>3</sup>	5'-TgA <sup>3</sup>	5'-Cgg <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-ggC <sup>3</sup>	5'-TCC <sup>3</sup>	5'-CCg <sup>3</sup>	5'-TCA <sup>3</sup>	5'-gCC <sup>3</sup>	5'-CCC <sup>3</sup>	5'-TCC <sup>3</sup>	5'-Cgt <sup>3</sup>	5'-gAC <sup>3</sup>
		282			282	497		506	539	479		538	538	497	521	616	282		595			538			
		5'-gAC <sup>3</sup>			5'-gAg <sup>3</sup>	5'-Tgg <sup>3</sup>		5'-TgT <sup>3</sup>	5'-TCC <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>		5'-CCA <sup>3</sup>	5'-CCA <sup>3</sup>	5'-TgA <sup>3</sup>	5'-gga <sup>3</sup>	5'-CgC <sup>3</sup>	5'-gAg <sup>3</sup>		5'-CCg <sup>3</sup>			5'-CCg <sup>3</sup>			
					292					538				524			282								
					5'-gTg <sup>3</sup>					5'-CAg <sup>3</sup>				5'-CAC <sup>3</sup>			5'-gAg <sup>3</sup>								
										538															
										538															
Well No.		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
Length of spec.		195	435	195	180	140	230	145	160	150	165	160	205	210	150	145	215	175	200	325	90	165	165	185	375
PCR product(s)					225	235			240	195		200	405	240	195	205			225			215			
Well No.		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24

















														<b>HLA-A allele<sup>4</sup></b>					
														<b>*68:01:01:01-68:01:01:02,</b> 68:01:03-68:01:05, 68:01:07-68:01:10, 68:21:02, 68:56, 68:58, 68:72, 68:79					
														<b>*68:01:02, 68:01:06,</b> <b>68:37,</b> 68:69-68:71, 68:73, 68:76, 68:83, 68:85 <sup>9</sup>					
														<b>*68:02:01:01-68:02:04,</b> 68:62, 68:64, 68:74, 68:77, 68:78, 68:82					
														<b>*68:03:01-68:03:02</b>					
														<b>*68:03:03</b>					
														*68:04					
														<b>*68:05</b>					
														<b>*68:06</b>					
														<b>*68:07</b>					
														*68:08:01					
														<b>*68:08:02</b>					
														*68:09					
														<b>*68:10</b>					
														<b>*68:11N</b>					
														<b>*68:12</b>					
														<b>*68:13</b>					
														*68:14					
														<b>*68:15</b>					
														<b>*68:16</b>					
														<b>*68:17</b>					
														*68:18N					
														<b>*68:19</b>					
														*68:20					
														*68:21:01					
														*68:22					
														*68:23					
														<b>*68:24</b>					
														<b>*68:25</b>					
														*68:26					
														<b>*68:27, 66:16<sup>5</sup></b>					
														*68:28					
<b>25</b>	<b>26</b>	<b>27</b>	<b>28</b>	<b>29</b>	<b>30</b>	<b>31</b>	<b>32</b>	<b>33</b>	<b>34</b>	<b>35</b>	<b>36</b>	<b>37</b>	<b>38</b>	<b>39</b>	<b>40</b>	<b>41</b>	<b>42</b>	<b>Well No.</b>	
110	100	185	200	80	145	220	175	150	165	140	195	285	145	180	195	200	130	<b>Length of spec.</b>	
240	185	235	230	250	245													<b>PCR product(s)</b>	
<b>25</b>	<b>26</b>	<b>27</b>	<b>28</b>	<b>29</b>	<b>30</b>	<b>31</b>	<b>32</b>	<b>33</b>	<b>34</b>	<b>35</b>	<b>36</b>	<b>37</b>	<b>38</b>	<b>39</b>	<b>40</b>	<b>41</b>	<b>42</b>	<b>Well No.</b>	
25																		<b>*68:29, 68:52<sup>6</sup></b>	
																		<b>*68:30</b>	
																		<b>*68:31</b>	









